

ОТЗЫВ

на автореферат Зайцева Сергея Сергеевича «Изучение возбудителей abortогенных инфекций сельскохозяйственных животных с применением методов молекулярно-генетического анализа» на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности

4.2.3. – Инфекционные болезни и иммунология животных

Глобальной проблемой в сфере животноводства является появление различных патогенов, включая возбудителей оппортунистических инфекций, резистентных к противомикробным средствам, а, в некоторых случаях, и к целым классам препаратов. Согласно утвержденной единой «Стратегии предупреждения распространения антимикробной резистентности на период до 2030 года», включая предупреждение и ограничение распространения устойчивости микроорганизмов к антибиотикам в здравоохранении, сельском хозяйстве, в том числе животноводстве.

Задачи, поставленные в исследовании, решены методологически правильно. Первостепенной задачей явилось провести полногеномное секвенирование коллекционных штаммов *S. psittaci*, изолированных от животных с хламидийными инфекционными абортами, выделенных на территории РФ, с использованием платформ NGS2 и NGS-3 и последующей сборкой геномов методом *de novo*. В последующем изучить молекулярно-генетические характеристики возбудителей ИБ СХЖ на модели коллекционных штаммов *S. psittaci* с выявлением их уникальных особенностей, включая основные таргетные участки исследуемых геномов.

Автором впервые с применением платформ NGS-2 и NGS-3 и последующей сборкой полногеномных последовательностей методом *de novo* получены данные о детальных молекулярно-генетических характеристиках коллекционных штаммов *S. psittaci* Rostinovo-70, AMK-16 и BL-84 – возбудителей инфекционных аборт, изолированных во время вспышек хламидиоза у СХЖ на территории РФ. Приоритетными являются данные о выявлении у представителей *S. psittaci* нового генотипа «G». В ходе работы в хромосомах исследуемых штаммов *S. psittaci* (Rostinovo-70, AMK-16 и BL-84) выявлен уникальный участок из 20 кодирующих последовательностей (CDS), указывающий на потенциальную гомологичную рекомбинацию с представителями *S. abortus*.

По материалам диссертации опубликовано 9 работ, в том числе 1 статья из перечня рецензируемых научных изданий, рекомендованных ВАК Минобрнауки РФ, и 3 – в изданиях из международных баз данных.

Диссертация изложена на 188 страницах машинописного текста и состоит из введения, обзора литературы, собственных исследований, выводов, практических предложений, библиографического списка использованной литературы, перечня сокращений и наименований, приложений. Работа состоит из 21 таблицы, 22 рисунка. Список использованной литературы включает в себя 288 источников, в том числе 207 зарубежных авторов.

Считаем, что рецензируемая диссертационная работа представляет самостоятельно выполненный законченный научный труд, имеет теоретическое и практическое значение. По объему исследований, методическому уровню, количеству публикаций, научной новизне и практической значимости работа отвечает п. 9 Положениям ВАК РФ, предъявляемым к кандидатским диссертациям, а её автор Зайцев Сергей Сергеевич заслуживает присуждения ученой степени кандидата биологических наук по специальности 4.2.3. – Инфекционные болезни и иммунология животных.

Заведующая базовой кафедрой эпизоотологии и микробиологии ФГБОУ ВПО «Ставропольский государственный аграрный университет», доктор ветеринарных наук, доцент

Ожередова Надежда Аркадьевна

Доцент базовой кафедры эпизоотологии и микробиологии ФГБОУ ВПО «Ставропольский государственный аграрный университет», кандидат биологических наук, доцент

Светицкая Елена Валентиновна

355017, Россия, г. Ставрополь, пер. Зоотехнический 12.

ФГБОУ ВПО «Ставропольский государственный аграрный университет»

тел. (8652) 28 67 38, e-mail: ogeredova-sgau@mail.ru

